

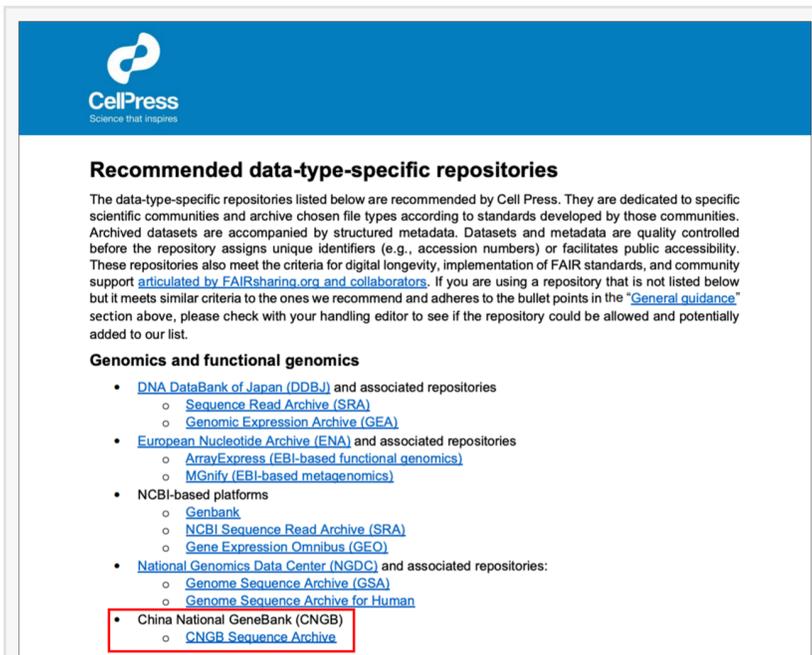
El Archivo de Secuenciación del Banco Nacional de Genes de China recibe la recomendación de Cell Press

SHENZHEN, CHINA, September 27, 2023 /EINPresswire.com/ -- El Archivo de Secuenciación (CNSA) del Banco Nacional de Genes de China (CNGB), un sistema dedicado a la preservación, compartición y aplicación de datos, ha recibido recientemente la recomendación de Cell Press como un repositorio especializado para datos genómicos y de genómica funcional.

Esto sitúa a CNSA al lado de otros repositorios internacionales recomendados por Cell Press, como el Banco de Datos de ADN de Japón (DDBJ), el Archivo Europeo de Nucleótidos (ENA), el Centro Nacional de Información de Biotecnología de los Estados Unidos (NCBI) y el Centro Nacional de Datos de Genómica de China (NGDC).

Fundado en 2011, el CNGB es un banco de genes integrado de nivel nacional líder en el mundo, accesible al público. El CNGB es operado de forma independiente por BGI-Research bajo contrato con el gobierno, un modelo similar al utilizado por los Laboratorios Nacionales de EE. UU., propiedad del gobierno y operado por contratistas.

Esta inclusión implica que Cell Press



The screenshot shows the Cell Press website with a blue header. Below the header, there is a section titled "Recommended data-type-specific repositories". The text explains that these repositories are recommended by Cell Press and are dedicated to specific scientific communities. It lists several repositories, including DNA DataBank of Japan (DDBJ), European Nucleotide Archive (ENA), and National Genomics Data Center (NGDC). The China National GeneBank (CNGB) and its associated repository, the CNGB Sequence Archive, are highlighted with a red box.

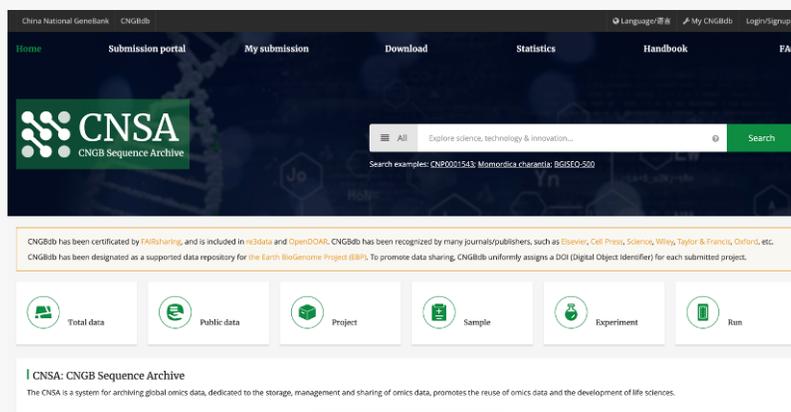
Recommended data-type-specific repositories

The data-type-specific repositories listed below are recommended by Cell Press. They are dedicated to specific scientific communities and archive chosen file types according to standards developed by those communities. Archived datasets are accompanied by structured metadata. Datasets and metadata are quality controlled before the repository assigns unique identifiers (e.g., accession numbers) or facilitates public accessibility. These repositories also meet the criteria for digital longevity, implementation of FAIR standards, and community support articulated by FAIRsharing.org and collaborators. If you are using a repository that is not listed below but it meets similar criteria to the ones we recommend and adheres to the bullet points in the "General guidance" section above, please check with your handling editor to see if the repository could be allowed and potentially added to our list.

Genomics and functional genomics

- [DNA DataBank of Japan \(DDBJ\)](#) and associated repositories
 - [Sequence Read Archive \(SRA\)](#)
 - [Genomic Expression Archive \(GEA\)](#)
- [European Nucleotide Archive \(ENA\)](#) and associated repositories
 - [ArrayExpress \(EBI-based functional genomics\)](#)
 - [MGnify \(EBI-based metagenomics\)](#)
- NCBI-based platforms
 - [Genbank](#)
 - [NCBI Sequence Read Archive \(SRA\)](#)
 - [Gene Expression Omnibus \(GEO\)](#)
- [National Genomics Data Center \(NGDC\)](#) and associated repositories:
 - [Genome Sequence Archive \(GSA\)](#)
 - [Genome Sequence Archive for Human](#)
- [China National GeneBank \(CNGB\)](#)
 - [CNGB Sequence Archive](#)

Cell Press ha recomendado el Archivo de Secuenciación del Banco Nacional de Genes de China (CNGB) (CNSA) como un repositorio específico para tipos de datos.



The screenshot shows the CNSA website. The header includes the logo for CNSA (CNGB Sequence Archive) and a search bar. Below the header, there is a navigation menu with options like Home, Submission portal, My submission, Download, Statistics, Handbook, and FAQ. The main content area features a grid of icons representing different data types: Total data, Public data, Project, Sample, Experiment, and Run. At the bottom, there is a footer with the text "CNSA: CNGB Sequence Archive" and a brief description of the system.

Página web del Archivo de Secuenciación del CNGB (CNSA)

reconoce de manera oficial a CNSA, subrayando su aprobación y recomendación. Los investigadores de todo el mundo que envíen sus manuscritos a las revistas de Cell Press ahora cuentan con la opción de archivar y compartir sus datos científicos a través de CNSA, lo que refuerza aún más la credibilidad y el valor que se otorgan a esta plataforma.

Cell Press selecciona repositorios recomendados siguiendo criterios acordados por la comunidad científica y directrices generales, que enfatizan el apoyo y el reconocimiento en las comunidades científicas de los repositorios, la implementación de los Principios FAIR (Findability, Accessibility, Interoperability, and Reusability) para los Datos, y el acceso abierto sin restricciones innecesarias.



CNSA se compromete con la compartición abierta de datos de múltiples ómicas, que incluyen genómica, transcriptómica, metabolómica, de célula única y transcriptómica espacial. Este sistema ofrece a los investigadores a nivel global servicios de archivo de datos seguros, estables y convenientes, promoviendo la utilización y reutilización de datos de múltiples ómicas y contribuyendo al avance de las ciencias de la vida en todo el mundo.

Hasta agosto de 2023, CNSA ha archivado 11.691 TB de datos de múltiples ómicas y respalda la presentación y compartición de datos de investigación científica de más de 400 instituciones de investigación en todo el mundo. Estos datos respaldan la publicación de 1229 artículos en 353 revistas, incluyendo algunas de renombre mundial como The Lancet, Science y Cell.

CNSA ya había recibido previamente reconocimiento de varios editores y revistas internacionales, como Wiley, Oxford y la serie Science. Su inclusión por parte de Cell Press representa otro reconocimiento internacional a CNSA en lo que respecta a la gobernanza de datos y las prácticas de datos científicos abiertos.

Fundada en 1974, Cell Press es una destacada editorial a nivel mundial en el campo de la investigación biomédica de vanguardia y revisiones globales en áreas como bioquímica, genética, neurociencia, inmunología, cáncer y otras disciplinas.

Richard Li
BGI Group
[email us here](#)

Visit us on social media:

[Facebook](#)

[Twitter](#)

[LinkedIn](#)

This press release can be viewed online at: <https://www.einpresswire.com/article/657762238>

EIN Presswire's priority is source transparency. We do not allow opaque clients, and our editors try to be careful about weeding out false and misleading content. As a user, if you see something we have missed, please do bring it to our attention. Your help is welcome. EIN Presswire, Everyone's Internet News Presswire™, tries to define some of the boundaries that are reasonable in today's world. Please see our Editorial Guidelines for more information.

© 1995-2023 Newsmatics Inc. All Right Reserved.